



CHIMICA CLINICA - Ciclo 2025
Campione n. 3
A.O.U.Careggi-Firenze
centro n.00624

Ente organizzatore	Centro di Riferimento Sicurezza e Qualità
Attività subappaltate	Prove sperimentali di omogeneità e preparazione dei materiali
Elaborato autorizzato da	Direttore del Centro: Dr. P.Pezzati
Coordinatore	Dr. G. Avveduto, Dr. A. Terreni
Contatti	crrveq@aou-careggi.toscana.it - tel. 055 7947907

Descrizione materiali

Il materiale di controllo, in forma liofila, è preparato a partire da siero umano.

Omogeneità e stabilità dei materiali

In fase di pianificazione del programma di VEQ, è stata verificata a campione l'omogeneità dei materiali distribuiti, in accordo alla norma ISO 13528:2022. I risultati hanno mostrato omogeneità sufficiente agli scopi del presente programma. I materiali sono stabili per tutta la durata del programma.

I risultati completi delle prove effettuate, sono disponibili, su richiesta presso l'organizzazione.

Valori Assegnati

Nella valutazione della competenza del partecipante, come valore di riferimento è stata scelta la media dei risultati ottenuti col metodo e/o sistema in uso dal partecipante. La deviazione standard è calcolata per i risultati ottenuti con tutti i metodi utilizzati e per quelli ottenuti con il metodo e/o sistema utilizzato dal partecipante. Per tutti i parametri richiesti, l'incertezza associata al valore di riferimento è stimata in accordo alla norma ISO 13528:2015.

Vista la provenienza del valore di riferimento, non è possibile tener conto della riferibilità metrologica.

Una guida dettagliata dell'Elaborato e della statistica applicata è presente sul sito web al pulsante 'Guida agli Elaborati'.

Valori modificati

Qualora un risultato venga corretto dal partecipante a seguito di un errore grossolano segnalato dalla SOD, viene evidenziato come 'Modificato'

Riservatezza

Tutte le comunicazioni relative ai programmi di VEQ avvengono in forma confidenziale tra l'Ente Organizzatore ed ogni singolo laboratorio. Ai partecipanti è assegnato uno specifico codice identificativo riservato. Tali codici riservati sono noti all'ente organizzatore, al singolo laboratorio ed ai preposti uffici.

questa pagina è intenzionalmente vuota

Analita: GLUCOSIO

mg/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	256	2	272.48	3.2	8.74	272.00
Tuo Metodo	24	0	274.46	2.7	7.37	273.00

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	281.0

Tutti	Diff. S	Diff. %
	0.98	3.13
Tuo Metodo	0.89	2.38

Valutazione errore totale												
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	
○ = Interno	○	○	○									L.A. camp. corrente: 6.00

N. risultati numerici	256
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

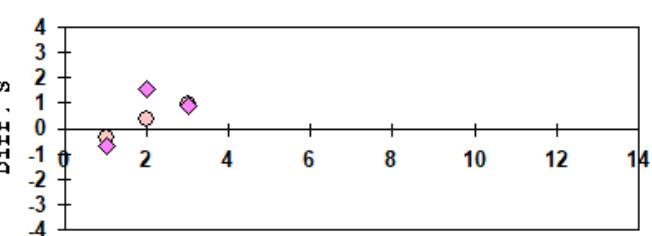
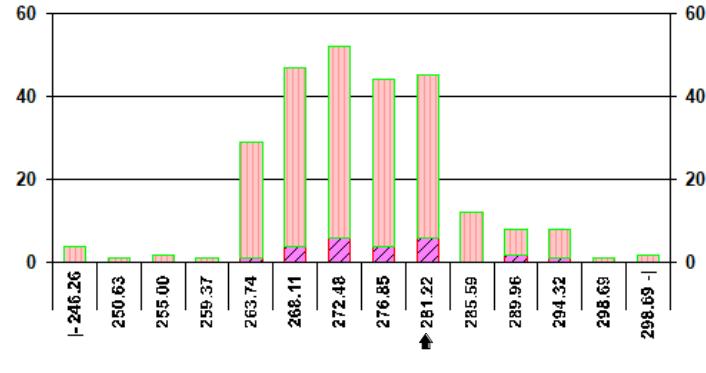
Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)						
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	S.D.	u _x
ESOCHINASI ROCHE	83	1	271.80	2.6	0.79	
ESOCHINASI BECKMAN AU	52	0	271.58	2.9	1.11	
ESOCHINASI	24	0	272.49	2.5	1.42	
ESOCHINASI/ARCHITECT	24	0	274.46	2.7	1.50	
ESOCHINASI/ALINITY	21	1	269.32	1.8	1.08	
GOD POD	19	0	278.16	3.3	2.12	
GOD POD MINDRAY	14	0	273.24	3.9	2.88	
GOD POD BIOTECNICA	9	0	266.22	14.2	12.57*	

 * u_x non trascurabile

Tuo Metodo

ESOCHINASI/ARCHITECT
■ Tuo Metodo ■ Altro

↑ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: UREA

mg/dL

N° Risposte totali: 252

Sottogruppo: UREA						
	N.	Out	M.	C.V.	S.D.	u _x
Tutti	251	5	125.2	4.3	5.3	125.0
Tuo Metodo	10	0	127.1	4.0	5.1	126.5

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	137

Tutti	Diff. S	Diff. %
	2.22	9.43
Tuo Metodo	1.94	7.79

Valutazione errore totale												
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12	

 ○ = Interno ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ ○ rispetto ai L.A. L.A. camp. corrente: 10.32

N. risultati numerici	251
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

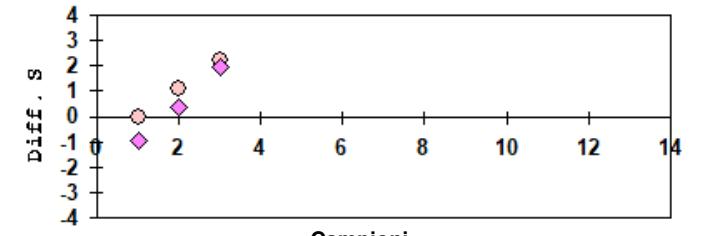
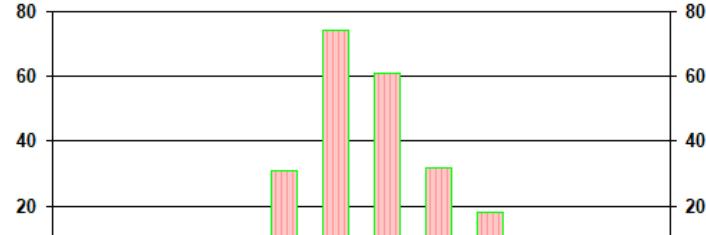
Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)						
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	S.D.	u _x
UREASI+ GLDH/ROCHE	83	1	124.3	3.1	0.4	
UREASI+GLDH/BECKMAN	55	0	125.9	3.8	0.6	
UREASI + GLDH	54	2	123.5	8.3	1.4	
UREASI+GLDH/ ALINITY	19	0	125.2	3.9	1.1	
UREASI+GLDH MINDRAY	15	0	125.4	3.8	1.2	
UREASI+GLDH/ ARCHITECT	15	0	126.6	3.4	1.1	
UREA 2 ARCHITECT	10	0	127.1	4.0	1.6*	

 * u_x non trascurabile

Tuo Metodo

UREA 2 ARCHITECT
■ Tuo Metodo ■ Altro

↑ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.



Analita: CREATININA

mg/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	255	6	4.307	5.7	0.246	4.320
Tuo Metodo	8	0	4.281	1.4	0.060	4.280

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	4.24

	Diff. S	Diff. %
Tutti	-0.27	-1.56
Tuo Metodo	-0.68	-0.96

Valutazione errore totale											
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A. L.A. camp. corrente: 8.26

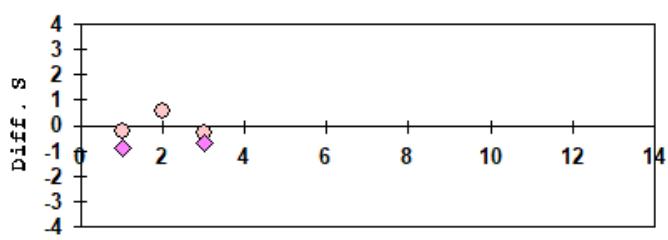
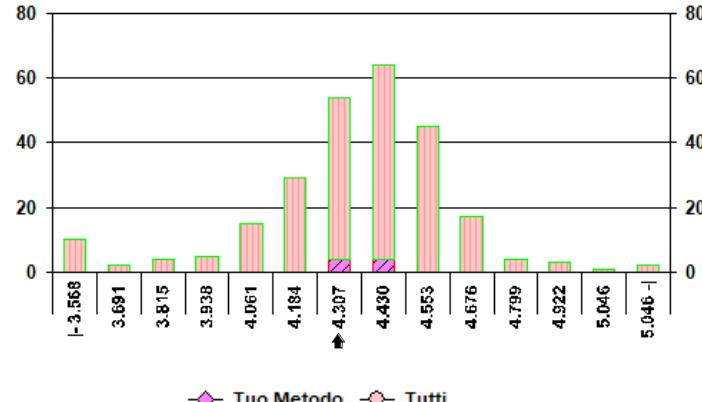
N. risultati numerici	255
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)					
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
ENZIMATICO/ROCHE	57	0	4.453	2.6	0.015
ENZIMATICO	35	1	4.349	4.2	0.031
PICRATO ALCAL IDMS BECKMAN	30	0	4.234	3.3	0.026
PICRATO ALCAL/ROCHE	27	0	4.270	4.7	0.039
PICRATO ALCALINO	24	0	3.882	14.4	0.114
ENZIMATICO BECKMAN	16	0	4.379	3.9	0.043
PICRATO ALCAL/ABBOTT	16	0	4.324	4.3	0.046
ENZIMATICO ABBOTT	11	0	4.240	2.1	0.026
PICRATO ALCAL BECKMAN	10	0	4.006	6.1	0.077*
PICRATO ALCALINO MINDRAY	10	0	4.370	12.3	0.169*
PICRATO ALCAL 2 ARCHITECT	8	0	4.281	1.4	0.021*

* u_x non trascurabile

Tuo Metodo
PICRATO ALCAL 2 ARCHITECT

■ Tuo Metodo ■ Altro
▲ Tuo valore



Campioni
Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: SODIO

mmol/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	242	3	156.8	2.1	3.3	157.0
Tuo Metodo	23	0	156.5	1.7	2.6	156.0

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	159

	Diff. S	Diff. %
Tutti	0.65	1.40
Tuo Metodo	0.96	1.60

Valutazione errore totale											
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A. L.A. camp. corrente: 3.00

N. risultati numerici	242
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	1

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)					
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x

* u_x non trascurabile

Tuo Metodo
I.S.E. INDIRETTA/ARCHITECT

■ Tuo Metodo ■ Altro
▲ Tuo valore

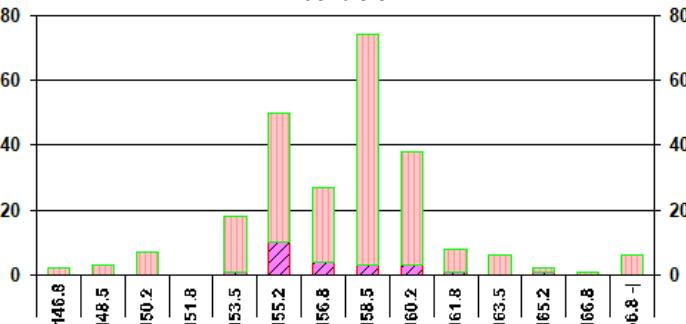
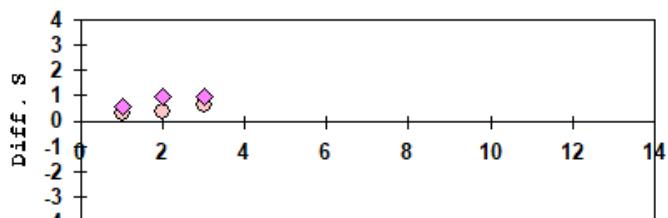


Grafico dati semiquantitativi/qualitativi	Tuo Metodo
> 200	0/1

■ Tuo Metodo ■ Tutti



Campioni
Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.



Analita: POTASSIO

mmol/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	243	3	6.085	2.8	0.168	6.100
Tuo Metodo	23	0	6.008	2.4	0.141	6.000

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	6.10

	Diff. S	Diff. %
Tutti	0.09	0.25
Tuo Metodo	0.65	1.53

Valutazione errore totale											
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○ = Interno	○	○	○								

L.A. camp. corrente: 4.20

N. risultati numerici	243
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

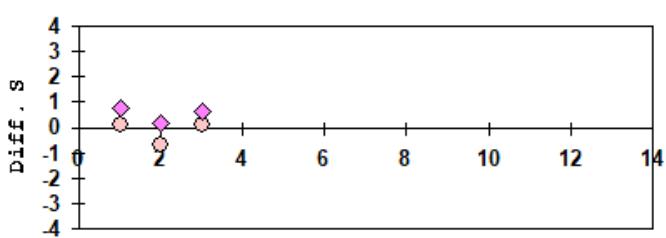
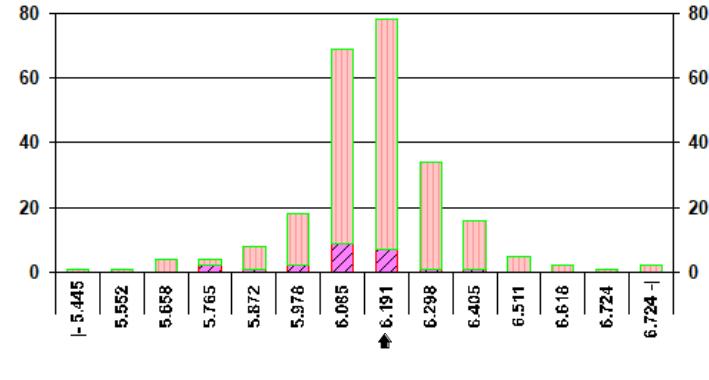
Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
I.S.E. INDIRETTA ROCHE	82	2	6.140	1.7	0.011
I.S.E. INDIRETTA BECKMAN AU	55	2	6.039	1.7	0.014
I.S.E. INDIRETTA	24	0	6.061	3.1	0.038
I.S.E. INDIRETTA/ARCHITECT	23	0	6.008	2.4	0.029
I.S.E. INDIRETTA/ALINITY	19	0	6.061	2.2	0.031
I.S.E. DIRETTA MINDRAY	12	0	6.042	3.7	0.064
I.S.E. DIRETTA	9	0	5.921	6.0	0.119*

* u_x non trascurabile

Tuo Metodo
I.S.E. INDIRETTA/ARCHITECT

■ Tuo Metodo ■ Altro
▲ Tuo valore



Campioni
Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: CLORURI

mmol/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	234	1	110.5	3.0	3.3	110.0
Tuo Metodo	23	0	113.3	2.2	2.5	113.0

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	116

	Diff. S	Diff. %
Tutti	1.66	4.98
Tuo Metodo	1.08	2.38

Valutazione errore totale											
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A. L.A. camp. corrente: 4.50

N. risultati numerici	234
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	1

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
I.S.E. IND ROCHE	81	2	108.1	1.9	0.2
I.S.E. INDIRETTA BECKMAN	53	2	110.2	1.7	0.3
I.S.E. INDIRETTA/ARCHITECT	23	0	113.3	2.2	0.5
I.S.E. INDIRETTA	20	0	112.8	2.3	0.6
I.S.E. INDIRETTA/ALINITY	17	0	113.4	1.4	0.4
COL.TIOC.DI MERCURIO/NIT.FERRI	14	1	111.2	3.4	1.1
I.S.E. DIRETTA MINDRAY	11	0	112.4	2.8	1.0*
I.S.E. DIRETTA	8	0	113.9	2.6	1.1*

* u_x non trascurabile

Tuo Metodo
I.S.E. INDIRETTA/ARCHITECT

■ Tuo Metodo ■ Altro
▲ Tuo valore

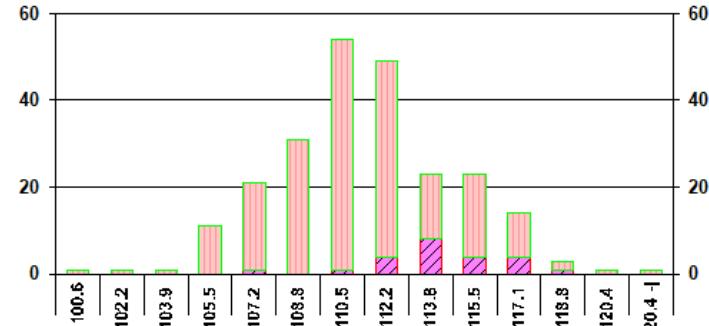
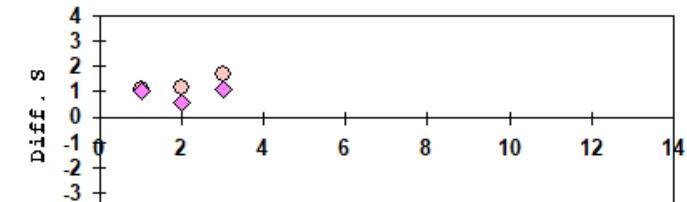


Grafico dati semiquantitativi/qualitativi	Tuo Metodo
> 150	0/1

■ Tuo Metodo ■ Tutti



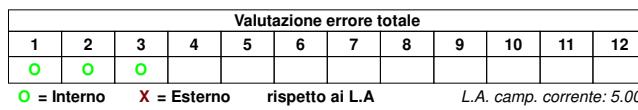
Campioni
Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: CALCIO TOTALE mg/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	244	3	11.95	3.0	0.36	12.00
Tuo Metodo	41	0	11.75	2.9	0.34	11.70

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	11.8

	Diff. S	Diff. %
Tutti	-0.42	-1.26
Tuo Metodo	0.15	0.43

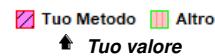
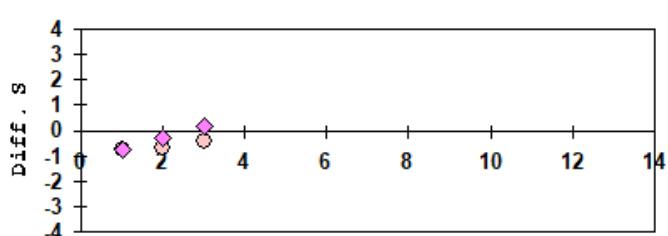
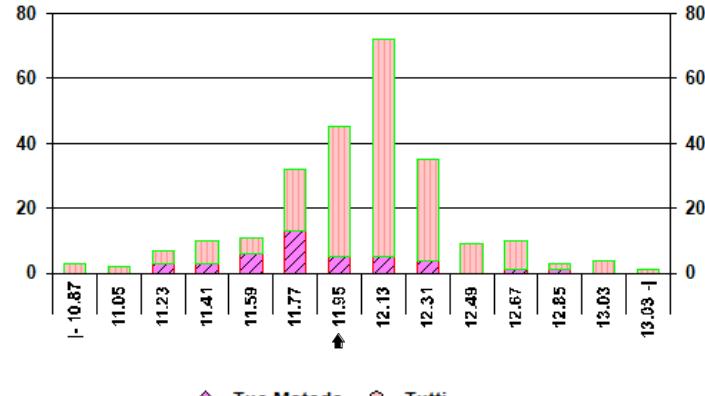


N. risultati numerici	244
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
ARSENAZO III/BECKMAN	51	1	11.96	2.7	0.04
NM-BAPTA ROCHE	45	0	12.05	2.8	0.05
ARSENAZO III/ABBOTT	41	0	11.75	2.9	0.05
COMPLORT/CRESOFT/ROCHE	36	1	11.89	2.4	0.05
ARSENAZO III	26	0	12.07	3.7	0.09
COMPLESSONE ORTO/CRESOFT/ALINA	23	0	12.00	3.6	0.09
ARSENAZO III/MINDRAY	14	1	11.97	2.2	0.07

 * u_x non trascurabile

 Tuo Metodo
ARSENAZO III/ABBOTT



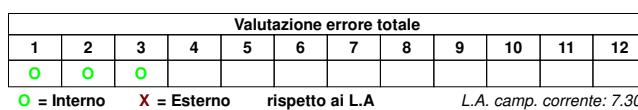
Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: FOSFATI mg/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	220	3	6.932	4.1	0.286	6.910
Tuo Metodo	37	0	7.102	3.4	0.241	7.100

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	7.10

	Diff. S	Diff. %
Tutti	0.59	2.42
Tuo Metodo	-0.01	-0.03

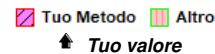
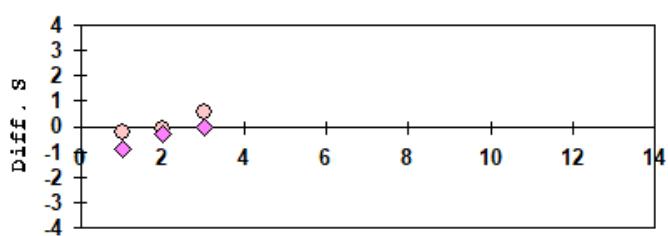
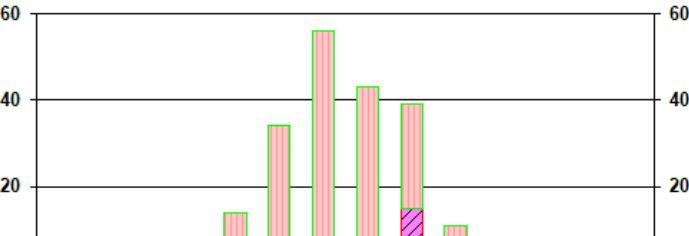


N. risultati numerici	220
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
FOSFOM (FORM/ROCHE)	55	1	6.844	2.1	0.020
FOSFOM.(FORMAZ.)/BECKMAN AU	40	1	6.874	4.4	0.048
FOSFOM.(FORMAZ.)/ABBOTT	37	0	7.102	3.4	0.040
FOSFOM (RIDUZ) / ROCHE	23	1	6.886	3.1	0.045
FOSFOM.(FORMAZ.) a 340 360 nm.	16	1	6.879	5.9	0.104
FOSFOM (FORM)/MINDRAY	11	0	6.837	3.5	0.073*
FOSFOM(RID)/SIEMENS DIMEN-VISTA	10	0	6.923	2.4	0.053*
FOSFOMOLIBDATO (RIDUZIONE)	10	0	6.690	8.1	0.172*
FOSFOMOLIBDATO (RIDUZIONE) BECKMAN AU	10	0	7.017	2.4	0.054*

 * u_x non trascurabile

 Tuo Metodo
FOSFOM.(FORMAZ.)/ABBOTT



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.



Analita: FERRO

ug/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	219	3	223.8	5.6	12.5	223.0
Tuo Metodo	43	1	236.3	5.1	12.1	234.5

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	238

	Diff. S	Diff. %
Tutti	1.14	6.35
Tuo Metodo	0.14	0.72

Valutazione errore totale											
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○ = Interno	○	○	○								

L.A. camp. corrente: 10.20

N. risultati numerici	219
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

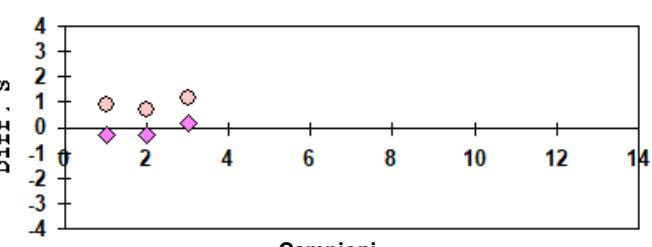
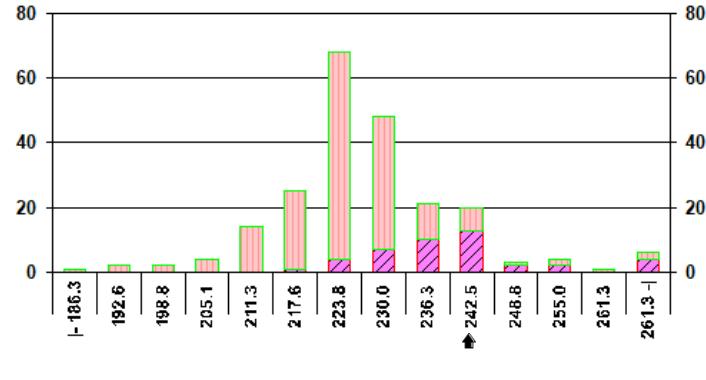
Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	U _x
FERROZINE/ROCHE	68	0	222.4	2.8	0.8
FERENE-S/ABBOTT	43	1	236.3	5.1	1.9
FERENE-S	26	1	219.2	6.2	2.7
FERENE-S/BECKMAN AU	25	0	220.2	4.8	2.1
TPTZ/BECKMAN AU	21	0	224.8	4.0	1.9
FERROZINE	13	1	214.8	9.5	5.9
FERROZINE MINDRAY	11	0	212.1	4.1	2.6

* U_x non trascurabile

Tuo Metodo	FERENE-S/ABBOTT
------------	-----------------

■ Tuo Metodo ■ Altro
▲ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: ACIDO URICO

mg/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	239	5	9.026	4.0	0.362	9.000
Tuo Metodo	44	0	9.208	3.4	0.315	9.155

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	9.30

	Diff. S	Diff. %
Tutti	0.76	3.04
Tuo Metodo	0.29	1.00

Valutazione errore totale											
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12

L.A. camp. corrente: 7.40

N. risultati numerici	239
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

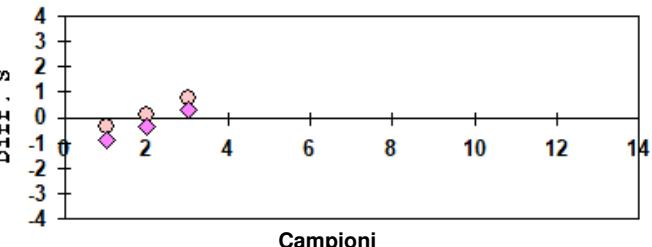
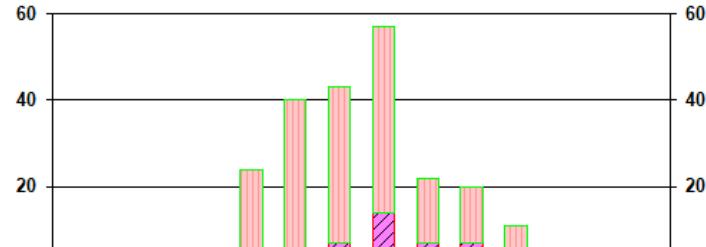
Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	U _x
URICASI POD/ROCHE	84	1	8.783	2.8	0.027
URICASI POD BECKMAN	51	1	9.225	3.0	0.039
URICASI POD ABBOTT	44	0	9.208	3.4	0.047
URICASI POD	20	1	9.212	4.1	0.086
URICASI POD MINDRAY	16	0	9.109	2.6	0.060
URICASI POD BIOTECNICA	9	0	9.494	13.6	0.429*

* U_x non trascurabile

Tuo Metodo	URICASI POD ABBOTT
------------	--------------------

■ Tuo Metodo ■ Altro
▲ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: PROTEINE TOTALI

g/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	225	3	4.618	4.2	0.195	4.600
Tuo Metodo	23	1	4.803	2.6	0.123	4.850

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 4.90

	Diff. S	Diff. %
Tutti	1.45	6.11
Tuo Metodo	0.79	2.02

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A.

L.A. camp. corrente: 5.90

N. risultati numerici

225

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
REAZ. BIURETO ROCHE	82	1	4.541	2.9	0.015
REAZIONE BIURETO/BECKMAN AU	48	1	4.547	3.3	0.022
REAZIONE BIURETO	29	1	4.739	3.8	0.034
REAZ. BIURETO/TPRO 2/ ARCHITECT	23	1	4.803	2.6	0.026
REAZ. BIURETO/TPRO 2/ALINITY	19	0	4.743	3.6	0.039
REAZIONE BIURETO/MINDRAY	13	0	4.473	5.4	0.067

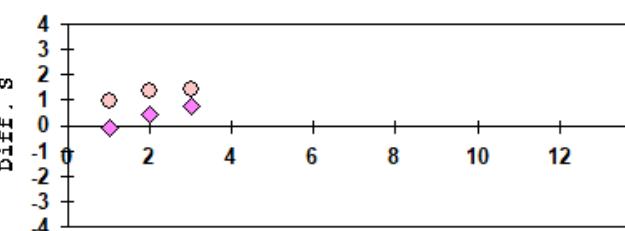
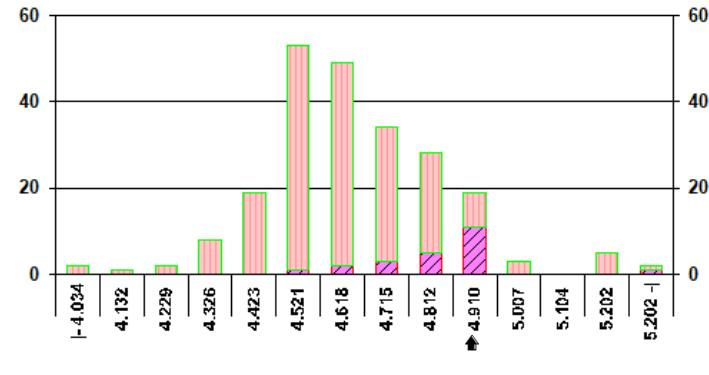
* u_x non trascurabile

Tuo Metodo

REAZ. BIURETO/TPRO 2/ARCHITECT

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: COLESTEROLO TOTALE

mg/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	224	5	282.4	3.6	10.0	282.0
Tuo Metodo	45	2	280.5	2.4	6.8	281.0

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 298

	Diff. S	Diff. %
Tutti	1.56	5.52
Tuo Metodo	2.57	6.24

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A.

L.A. camp. corrente: 8.30

N. risultati numerici

224

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
CHOD POD ROCHE	72	0	282.3	2.7	0.9
CHOD POD ABBOTT	45	2	280.5	2.4	1.0
CHOD POD/BECKMAN AU IDMS	24	0	289.4	3.0	1.8
CHOD POD	21	0	289.5	6.3	4.0
CHOD POD/BECKMAN AU CDC	21	0	279.2	4.5	2.7
CHOD POD MINDRAY	16	0	278.0	2.1	1.5
CHOD POD BIOTECNICA	9	0	295.6	7.0	6.9*

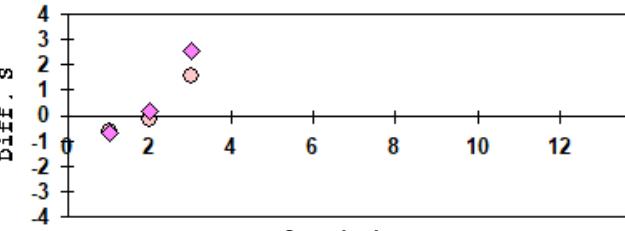
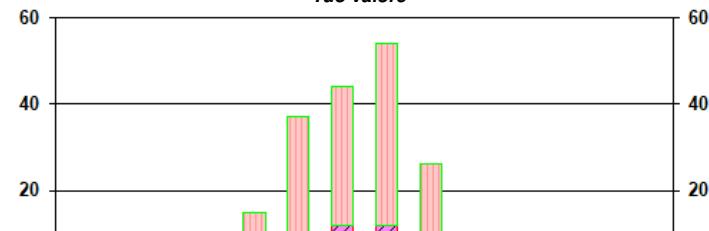
* u_x non trascurabile

Tuo Metodo

CHOD POD ABBOTT

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.



Analita: TRIGLICERIDI

mg/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	223	5	258.1	4.1	10.5	259.0
Tuo Metodo	24	0	250.5	2.0	5.1	250.0

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 252

	Diff. S	Diff. %
Tutti	-0.58	-2.36
Tuo Metodo	0.29	0.60

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno

rispetto ai L.A. L.A. camp. corrente: 9.80

N. risultati numerici 223

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

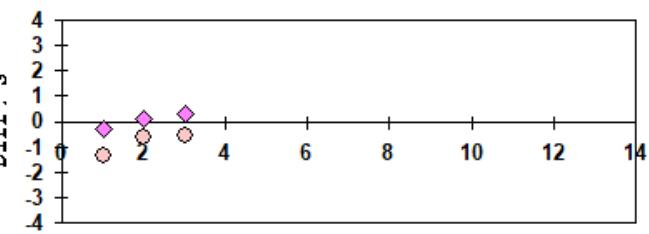
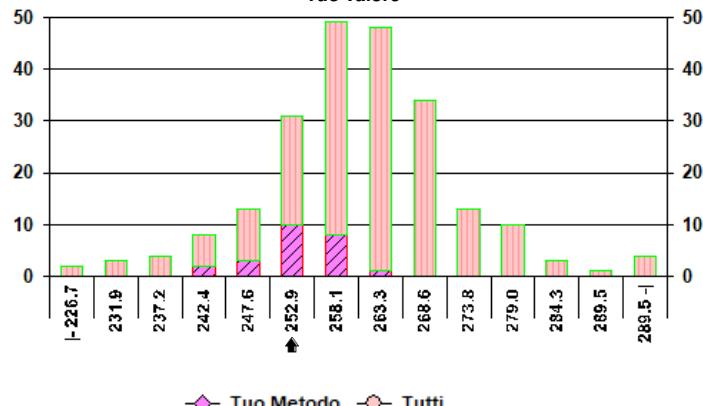
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
LIP/GK/GPO POD PAP/ROCHE	72	1	260.1	2.8	0.9
LIP/GK/GPO POD-PAP/BECKMAN AU	46	0	257.8	4.2	1.6
LIP/GK/GPO POD-PAP	28	0	265.7	7.0	3.5
LIP/GK/GPO POD-PAP/ARCHITECT	24	0	250.5	2.0	1.0
LIP/GK/GPO POD-PAP/ALINITY	20	0	250.3	5.3	2.9
LIP/GK/GPO POD-PAP/MINDRAY	16	0	249.8	3.2	2.0

* u_x non trascurabile

Tuo Metodo	
LIP/GK/GPO POD-PAP/ARCHITECT	

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: BILIRUBINA TOTALE

mg/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	249	2	4.878	8.4	0.412	4.890
Tuo Metodo	15	0	5.057	5.4	0.271	5.000

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 5.00

	Diff. S	Diff. %
Tutti	0.30	2.50
Tuo Metodo	-0.21	-1.13

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○										

○ = Interno X = Esterno

rispetto ai L.A. L.A. camp. corrente: 12.00

N. risultati numerici 249

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

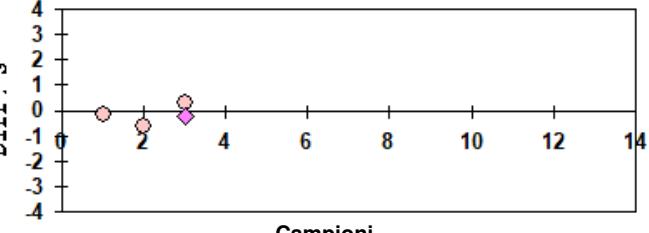
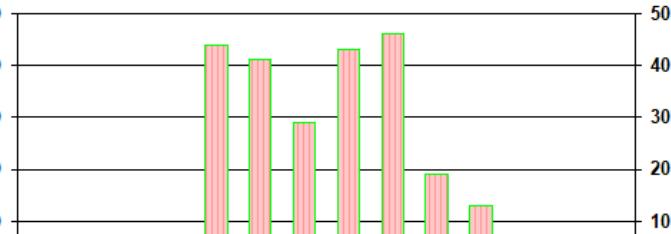
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
DPD/ROCHE	84	1	4.485	3.7	0.018
DPD/BECKMAN	53	2	5.125	4.0	0.029
DICLOROANILINA/ABBOTT	31	1	5.022	5.9	0.054
AC.SULFANILICO + ACC.	24	0	5.134	10.7	0.112
SALE DI DIAZONIO/ALINITY	15	0	5.057	5.4	0.070
AC.SULFANILICO DIMENSION/VISTA	11	0	5.179	2.2	0.035*

* u_x non trascurabile

Tuo Metodo	
SALE DI DIAZONIO/ALINITY	

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: BILIRUBINA DIRETTA

mg/dL

N° Risposte totali: 240

Sottogruppo: BILIRUBINA DIRETTA

mg/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	189	0	1.624	14.9	0.243	1.680
Tuo Metodo	40	1	1.687	8.8	0.148	1.660

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 1.70

	Diff. S	Diff. %
Tutti	0.31	4.68
Tuo Metodo	0.09	0.77

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno

rispetto ai L.A.

L.A. camp. corrente: 30.00

N. risultati numerici 189

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

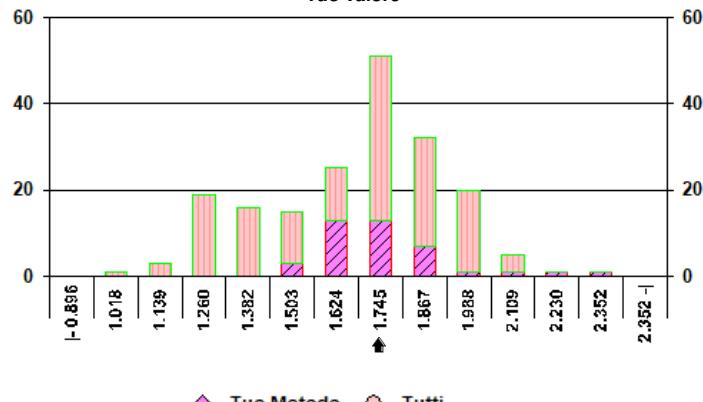
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
DPD/ROCHE	83	0	1.772	6.6	0.013
DPD/BECKMAN	50	0	1.304	9.1	0.017
DICLOROANILINA/ABBOTT	40	1	1.687	8.8	0.024
VANADATO	10	0	1.567	14.2	0.071*
AC.SULFANILICO + SALE DIAZONIO	30	2	1.620	17.1	0.052
AC. SULFANILICO DIMENSION/VISTA	11	0	1.205	5.5	0.020*
GENDR.IK/IL 300/600/650 TAURUS ARIES	8	0	1.236	23.6	0.103*

* u_x non trascurabile

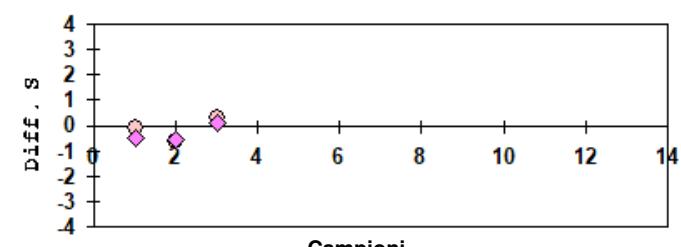
Tuo Metodo	
DICLOROANILINA/ABBOTT	

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



■ Tuo Metodo ■ Tutti



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: AST (GOT)

U/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	255	1	135.4	8.0	10.8	135.0
Tuo Metodo	33	1	140.0	4.0	5.6	139.0

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 147

	Diff. S	Diff. %
Tutti	1.07	8.57
Tuo Metodo	1.25	5.00

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno

rispetto ai L.A.

L.A. camp. corrente: 11.00

N. risultati numerici 255

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
IFCC/ROCHE senza P-5-P	64	2	125.5	3.2	0.5
IFCC/BECKMAN senza P-5-P	41	2	138.7	2.4	0.5
IFCC ABBOTT senza P-5-P	33	1	140.0	4.0	1.0
IFCC/ROCHE	21	0	150.3	4.9	1.6
IFCC/ senza P-5-P	19	0	127.5	7.1	2.1
IFCC	14	0	132.2	7.7	2.7
IFCC/BECKMAN	14	0	134.9	2.9	1.1
IFCC/MINDRAY senza P-5-P	14	0	136.7	3.4	1.2
IFCC ABBOTT	12	0	147.3	5.5	2.3
IFCC DIMENSION/DIM.VISTA	11	0	149.8	2.4	1.1*

* u_x non trascurabile

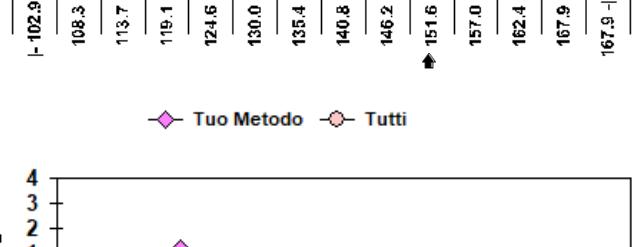
Tuo Metodo	
IFCC ABBOTT senza P-5-P	

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



■ Tuo Metodo ■ Tutti



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.



Analita: ALT (GPT)

U/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	256	1	145.9	7.4	10.9	145.0
Tuo Metodo	34	0	134.6	3.9	5.3	133.0

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 137

	Diff. S	Diff. %
Tutti	-0.82	-6.10
Tuo Metodo	0.45	1.78

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A.

L.A. camp. corrente: 12.10

N. risultati numerici

256

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

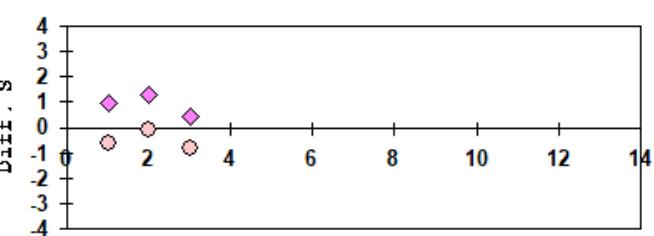
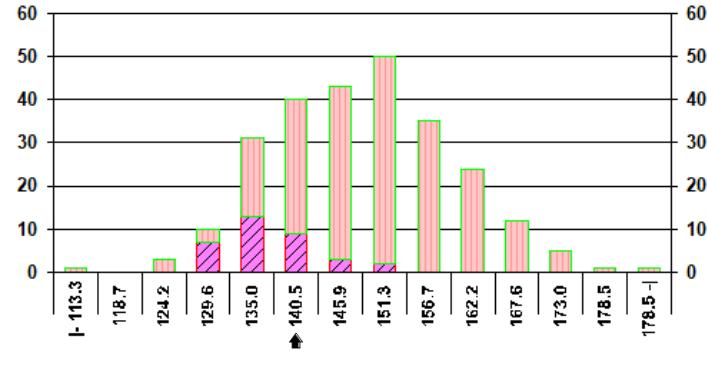
Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	U _x
IFCC/ROCHE senza P-5-P	63	1	139.6	2.8	0.5
IFCC/BECKMAN senza P-5-P	44	2	153.1	2.6	0.6
IFCC ABBOTT senza P-5-P	34	0	134.6	3.9	0.9
IFCC	24	0	150.4	8.5	2.6
IFCC/ROCHE	22	0	148.3	3.7	1.2
IFCC senza P-5-P	19	0	149.3	10.4	3.6
IFCC/MINDRAY senza P-5-P	15	0	163.5	3.5	1.5
IFCC/BECKMAN	12	0	150.8	2.8	1.2
IFCC ABBOTT	11	0	141.1	7.3	3.1*

* U_x non trascurabile

Tuo Metodo
IFCC ABBOTT senza P-5-P

■ Tuo Metodo ■ Altro
▲ Tuo valore



Campioni
Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: GAMMA - GT

U/L

N° Risposte totali: 243

Sottogruppo: GAMMA - GT

U/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	230	3	160.7	7.8	12.5	163.0
Tuo Metodo	9	0	168.1	5.6	9.4	166.0

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 175

	Diff. S	Diff. %
Tutti	1.15	8.90
Tuo Metodo	0.73	4.10

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A.

L.A. camp. corrente: 11.90

N. risultati numerici

230

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

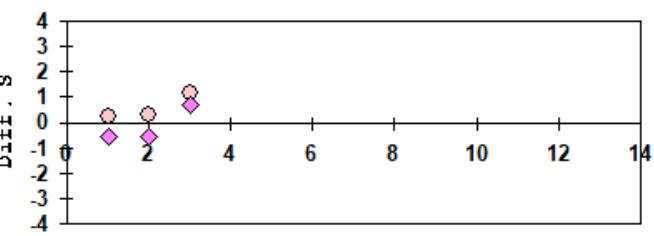
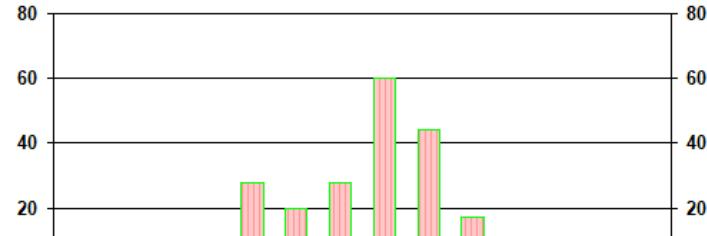
Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	U _x
SUB. G-GLUT-3 CARBOSSI-4-NITR./BECKMAN	51	0	163.8	4.0	0.9
IFCC / ROCHE	46	1	163.7	4.7	1.1
SZASZ / ROCHE	35	1	144.6	3.4	0.9
SUB. G-GLUT-3 CARBOSSI-4-NITR.	27	0	158.6	10.7	3.3
SUB. G-GLUT-3 CARBOSSI-4-NITRO./ABBOT	17	0	172.1	8.2	3.4
IFCC/MINDRAY	14	1	159.2	2.0	0.9
GGT 2 ARCHITECT	9	0	168.1	5.6	3.1*
GGT SZASZ / ARCHITECT	8	0	174.4	5.1	3.1*
SUB. GLUT.3CARB-4NITR. /DIMENSION/VISTA	11	0	198.8	3.3	2.0*

* U_x non trascurabile

Tuo Metodo
GGT 2 ARCHITECT

■ Tuo Metodo ■ Altro
▲ Tuo valore



Campioni
Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: ALP U/L
N° Risposte totali: 228
Sottogruppo: ALP (AMP) U/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	208	1	334.1	8.7	29.0	331.0
Tuo Metodo	43	1	339.3	2.7	9.2	340.0

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	355

	Diff. S	Diff. %
Tutti	0.72	6.26
Tuo Metodo	1.71	4.63

Valutazione errore totale											
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

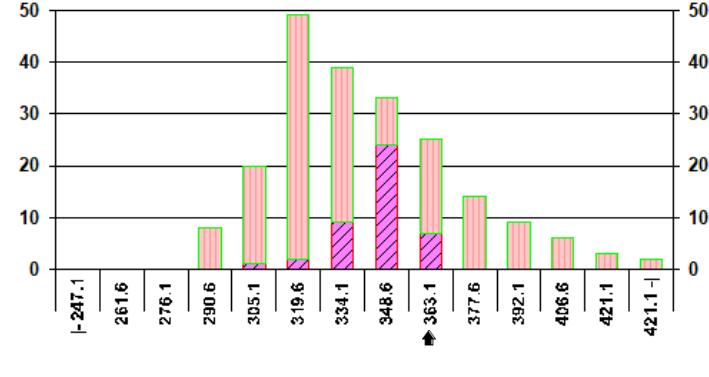
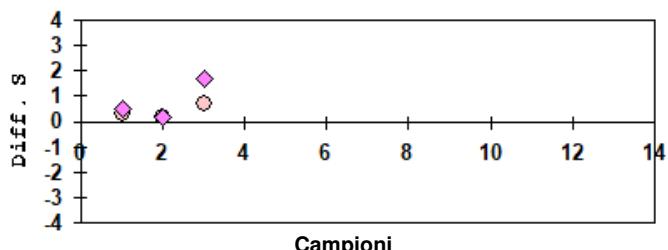
○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A. L.A. camp. corrente: 15.00

N. risultati numerici	208
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	U _x
p-NITROFENIL FOSFATO/AMP/ROCHE	81	0	310.5	4.1	1.4
p-NITROF. FOSF.TO/AMP/BECKMAN	44	0	362.8	6.9	3.8
p-NITROF-FOSFATO/AMP/ABBOTT	43	1	339.3	2.7	1.4
p-NITROFENIL FOSFATO/AMP	15	0	347.5	8.7	7.8
p-N-FOSFATO/AMP/MINDRAY	12	0	368.9	12.7	13.6
p-NITROFENIL FOSFATO/DEA	13	0	448.5	16.1	20.1

 * U_x non trascurabile

Tuo Metodo
p NITROF-FOSFATO/AMP/ABBOTT
■ **Tuo Metodo** ■ **Altro**
▲ **Tuo valore**

◆ **Tuo Metodo** ● **Tutti**


Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: AMILASI U/L
N° Risposte totali: 177
Sottogruppo: AMILASI U/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	176	3	255.3	6.1	15.6	255.0
Tuo Metodo	9	0	264.8	2.0	5.3	265.0

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	271

	Diff. S	Diff. %
Tutti	1.01	6.15
Tuo Metodo	1.17	2.34

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A. L.A. camp. corrente: 10.09

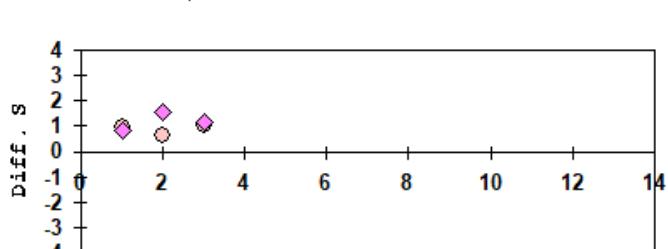
N. risultati numerici	176
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	U _x
G7PNP/EPS-IFCC/ROCHE	53	1	242.5	2.4	0.8
G7PNP/BECKMAN AU	17	0	259.0	4.0	2.5
G7PNP/EPS-IFCC	17	0	256.4	4.9	3.1
2-CL-PNP/MALTO TRIOSIDE	11	0	257.5	23.0	17.9*
G7PNP/EPS-IFCC MINDRAY	11	0	256.4	1.9	1.5*
AMY 2 ARCHITECT	9	0	264.8	2.0	1.8*
2-CL-PNP-MALTO TRIOS/ALINITY	8	0	266.8	1.3	1.3*
2-CL-PNP-MALTO TRIOS/ARCHITECT	8	0	263.3	3.0	2.8*
4-NITROF. -MALTOHEP -ETILIDENE	8	0	266.1	5.1	4.8*

 * U_x non trascurabile

Tuo Metodo
AMY 2 ARCHITECT
■ **Tuo Metodo** ■ **Altro**
▲ **Tuo valore**

◆ **Tuo Metodo** ● **Tutti**


Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.



Analita: AMILASI PANCREATICA

U/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	119	5	216.7	3.4	7.4	217.0
Tuo Metodo	5					

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 220

	Diff. S	Diff. %
Tutti	0.45	1.52
Tuo Metodo		

Risultati ricevuti Tuo Metodo

215 - 216 - 217 - 220 - 225

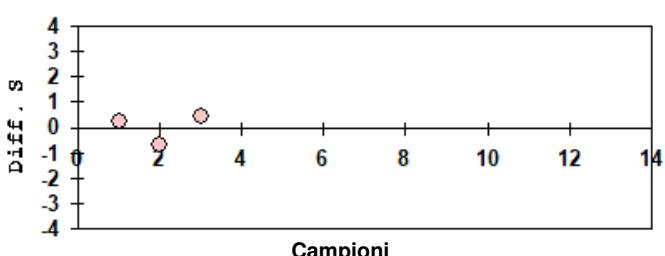
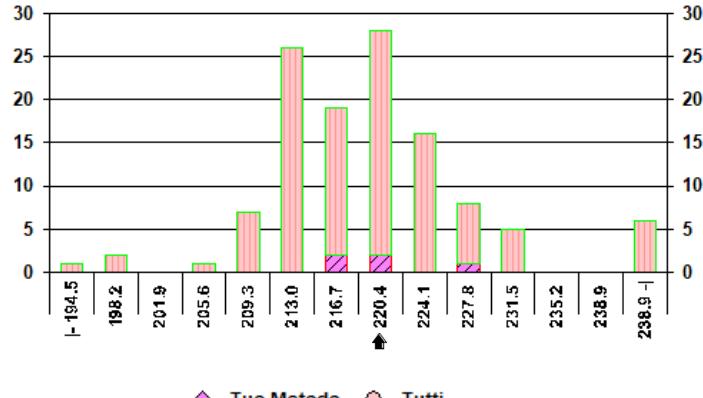
N. risultati numerici	119
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.
G7PNP/EPS BLOCCATO PANCREATICA/ROCHE	48	0	217.4	2.4
G7PNP/EPS BLOCCATO PANCREATICA/BECKMAN AU	23	0	213.9	3.2
G7PNP/EPS BLOCCATO PANCREATICA/ALINITY	12	0	215.3	4.5
G7PNP/EPS BLOCCATO PANCREATICA/DIMENSION/VISTA	11	0	214.1	3.4
G7PNP/EPS BLOCCATO PANCREATICA	9	0	225.1	5.0

Tuo Metodo
G7PNP/EPS BLOCCATO PANCREATICA/ARCHITECT

Tuo Metodo Altro
▲ Tuo valore



Note: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: LIPASI

U/L

N° Risposte totali: 188

Sottogruppo: LIPASI (MGL/GPO)

U/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	65	2	77.57	7.2	5.59	78.00
Tuo Metodo	17	0	75.76	9.8	7.44	75.00

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 73.0

	Diff. S	Diff. %
Tutti	-0.82	-5.89
Tuo Metodo	-0.37	-3.64

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A. L.A. camp. corrente: 20.00

N. risultati numerici	65
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

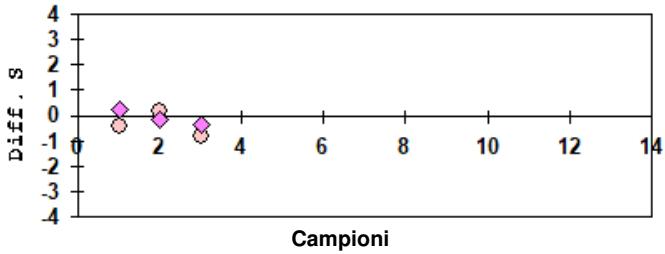
Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
MGL/GPO/BECKMAN AU	40	1	78.39	3.1	0.39
MGL/GPO/ARCHITECT	17	0	75.76	9.8	1.80
MGL/GPO/ALINITY	8	0	84.65	22.8	6.81*
DILAUR-GLIC-A,GLUT/ROCHE	51	1	79.35	3.6	0.40
DILAURILIC-GLICERO-AC,GLUT,CO	21	0	75.96	12.7	2.11
RANGE-EXT.DIL-GLIC-A,GL/ROCHE COBAS6-800	19	0	79.46	2.8	0.52
DILAURILIC-GLICERO-AC,GLUT,CO/ ALINITY	9	0	81.18	9.3	2.52*
DILAURILIC-GLICERO-AC,GLUT,CO/ MINDRAY	9	0	68.83	14.3	3.28*

* u_x non trascurabile

Tuo Metodo
MGL/GPO/ARCHITECT

Tuo Metodo Altro
▲ Tuo valore



Note: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: CREATINA CHINASI

U/L

N° Risposte totali: 240

Sottogruppo: CREATINA CHINASI

U/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	238	2	543.4	6.5	35.1	539.5
Tuo Metodo	21	1	549.3	4.8	26.1	552.0

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 568

	Diff. S	Diff. %
Tutti	0.70	4.53
Tuo Metodo	0.72	3.40

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A L.A. camp. corrente: 12.00

N. risultati numerici 238

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

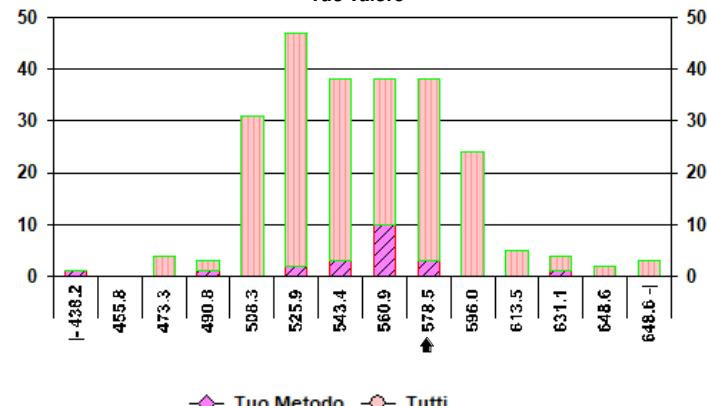
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	U _x
IFCC ROCHE	82	1	516.8	3.3	1.9
IFCC BECKMAN	55	0	575.0	3.8	2.9
IFCC	22	0	555.1	10.0	11.8
IFCC/ARCHITECT	21	1	549.3	4.8	5.8
IFCC ALINITY	20	0	553.3	2.4	3.0
IFCC MINDRAY	17	1	547.7	4.5	6.2
IFCC DIMENSION/VISTA I	8	0	515.3	2.8	5.0*

* U_x non trascurabile

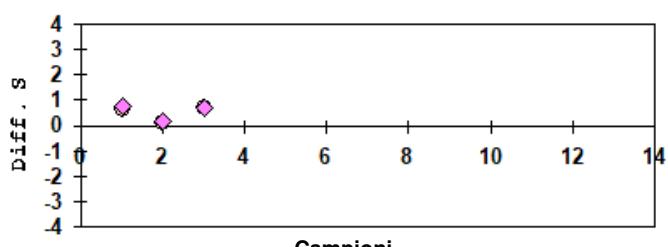
Tuo Metodo	IFCC/ARCHITECT

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



■ Tuo Metodo ■ Tutti



Campioni

Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: COLINESTERASI

U/L

N° Risposte totali: 166

Sottogruppo: COLINESTERASI

U/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	157	5	5484.7	9.7	532.3	5323.0
Tuo Metodo	32	1	6386.1	3.4	216.2	6392.0

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 6427

	Diff. S	Diff. %
Tutti	1.77	17.18
Tuo Metodo	0.19	0.64

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A L.A. camp. corrente: 10.00

N. risultati numerici 157

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

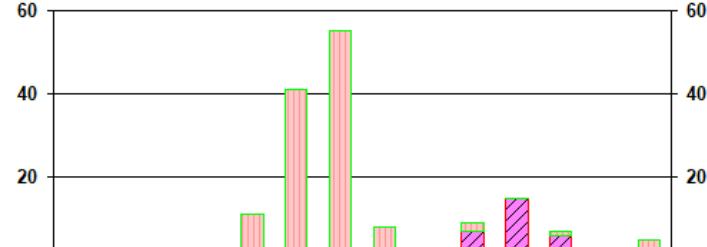
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	U _x
BUTIRRILTIOS ROCHE	64	0	5292.1	2.5	16.6
BUTIRRILTIOS. BECKMAN	38	0	5122.8	5.1	42.5
BUTIRRILTIOS. ABBOTT	32	1	6386.1	3.4	38.8
BUTIRRILTIOS.	12	0	5446.3	11.9	187.7

* U_x non trascurabile

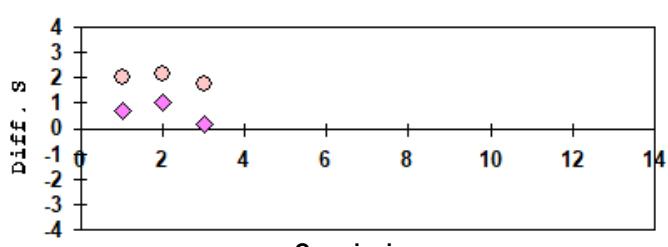
Tuo Metodo	BUTIRRILTIOS. ABBOTT

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



■ Tuo Metodo ■ Tutti



Campioni

Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: LATTATO DEIDROGENASI

U/L

N° Risposte totali: 231

Sottogruppo: LDH (lattato->piruvato)

U/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	195	2	338.1	4.5	15.1	340.0
Tuo Metodo	8	0	337.1	7.4	25.0	336.5

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 337

	Diff. S	Diff. %
Tutti	-0.07	-0.33
Tuo Metodo	0.00	-0.03

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

L.A. camp. corrente: 12.19

N. risultati numerici

195

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

--	--

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

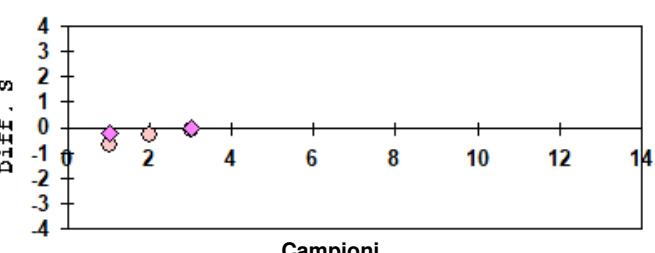
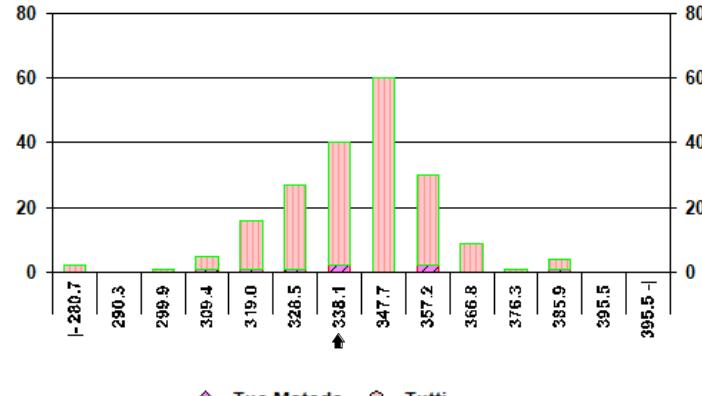
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	U _x
LATTATO-PIRUVATO ROCHE	78	2	346.5	2.4	1.0
LATTATO-PIRUVATO BECKMAN AU	46	1	331.2	4.0	2.0
LATTATO-PIRUVATO/ALINITY	16	0	329.8	5.5	4.5
LATTATO-PIRUVATO/ARCHITECT	16	0	323.5	4.9	4.0
LATTATO-PIRUVATO MINDRAY	10	0	339.4	3.1	3.3*
IFCC DIMENSION/VISTA I	9	0	339.0	3.6	4.0*
LDH 2	8	0	337.1	7.4	8.8*
PIRUVATO -> LATTATO	18	1	693.1	9.8	16.6

* U_x non trascurabile

Tuo Metodo	LDH 2
------------	-------

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: COLESTEROLO LDL

mg/dl

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	183	0	141.5	13.9	19.7	146.0
Tuo Metodo	8	0	121.3	7.2	8.7	121.0

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 125

	Diff. S	Diff. %
Tutti	-0.84	-11.66
Tuo Metodo	0.43	3.05

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

L.A. camp. corrente: 14.15

N. risultati numerici

183

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

--	--

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

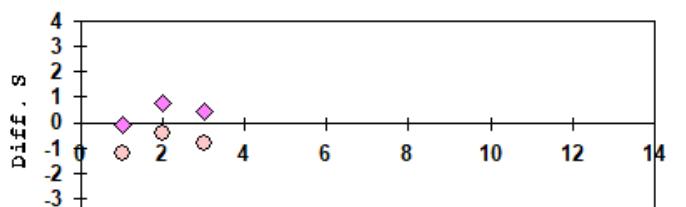
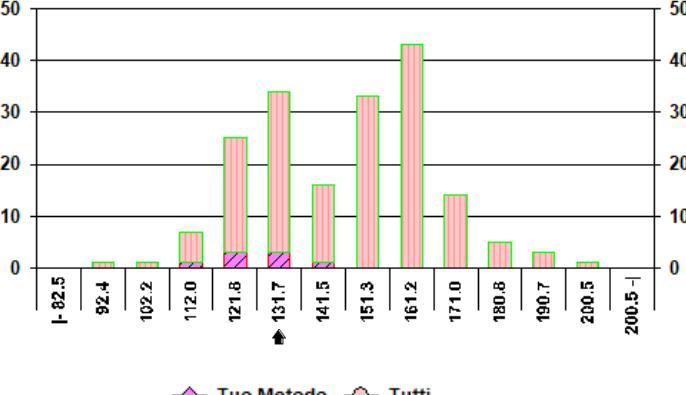
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	U _x
COL OMOGENEO BLOCCAGGIO ROCHE	48	1	153.5	4.1	0.9
COL OMOGENEO BLOCCAGGIO BECKMAN	25	0	157.9	8.3	2.6
COL OMOGENEO PER ELIMINAZIONE	17	0	145.5	10.6	3.7
COL OMOGENEO BLOCCAGGIO ALINITY	16	1	122.1	3.8	1.2
FORMULA DI FRIEDEWALD ROCHE	15	0	123.3	10.7	3.4
COL OMOGENEO PER BLOCCAGGIO	14	0	146.0	15.0	5.9
COL OMOGENEO BLOCCAGGIO ARCHITECT	12	0	119.3	5.1	1.7
FORMULA DI FRIEDEWALD BECKMAN	10	0	147.4	13.7	6.4*
FORMULA DI FRIEDEWALD	9	0	147.6	17.5	8.6*
COL OMOG. PER ELIMINAZIONE ABBOTT	8	0	121.3	7.2	3.1*

* U_x non trascurabile

Tuo Metodo	COL OMOG. PER ELIMINAZIONE ABBOTT
------------	-----------------------------------

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.



Analita: MAGNESIO TOTALE

mg/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	220	6	4.267	4.9	0.210	4.300
Tuo Metodo	11	0	4.306	3.0	0.128	4.300

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 4.36

	Diff. S	Diff. %
Tutti	0.44	2.18
Tuo Metodo	0.42	1.25

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A.

L.A. camp. corrente: 9.18

N. risultati numerici

220

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
COLOR.CON MAGON/XYLIDYL BLUE BECKMAN AU	46	1	4.258	3.8	0.024
COL MAGON/XL BLU ROCHE	40	1	4.270	2.3	0.015
BLU XILIDINE (II°gen.) ROCHE	34	1	4.303	4.4	0.033
ENZIMATICO ALINITY	18	0	4.284	2.7	0.027
COLOR.CON MAGON/XYLIDYL BLUE	13	0	4.154	18.0	0.207
CPZ III/ROCHE	11	0	4.264	2.3	0.030*
DYE ARSENATO / ABBOTT	11	0	4.306	3.0	0.039*
BMT DIMENSION/VISTA	10	0	4.404	2.2	0.031*
COL MAGON/XL BLU MINDRAY	10	0	4.079	10.2	0.131*
ENZIMATICO ARCHITECT	10	0	4.118	8.2	0.107*

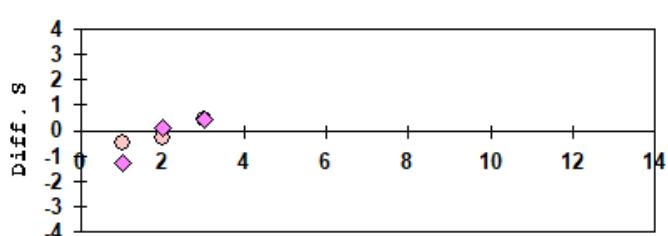
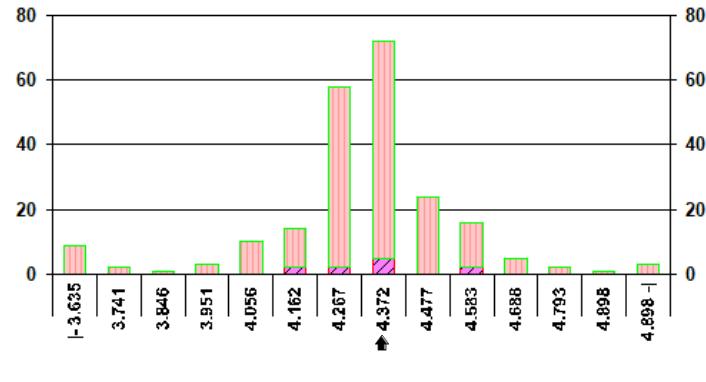
* u_x non trascurabile

Tuo Metodo

DYE ARSENATO / ABBOTT

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



Note: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: COLESTEROLO HDL

mg/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	221	2	96.3	12.8	12.4	96.0
Tuo Metodo	25	0	89.2	4.5	4.0	89.0

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 92

	Diff. S	Diff. %
Tutti	-0.34	-4.47
Tuo Metodo	0.70	3.14

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno rispetto ai L.A.

L.A. camp. corrente: 13.00

N. risultati numerici

221

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
COL.OMOG.PER BLOCC./ROCHE	67	1	109.7	3.4	0.5
COL.OMOG.PER IMMUN. BLOCCAGGIO/BECKMAN	42	1	97.1	4.6	0.7
COL.OMOG.ARCHITECT	25	0	89.2	4.5	0.8
COL.OMOG. ALINITY	20	0	86.9	4.0	0.8
COL.OMOG. ELIMIN. MINDRAY	15	0	82.7	8.7	1.9
COL.OMOGENEO PER BLOCCAGGIO	10	0	77.9	9.7	2.4*
COL.OMOGENEO PER ELIMINAZIONE	10	0	89.1	9.4	2.7*
COL.OMOGENEO PER ELIMINAZIONE/BIOTECNICA	10	0	91.3	17.9	5.2*

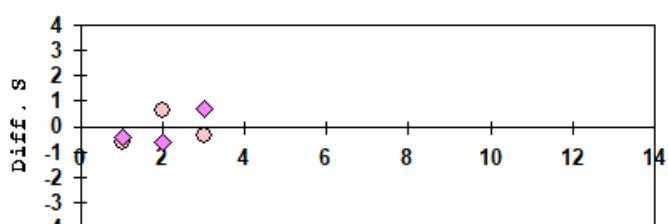
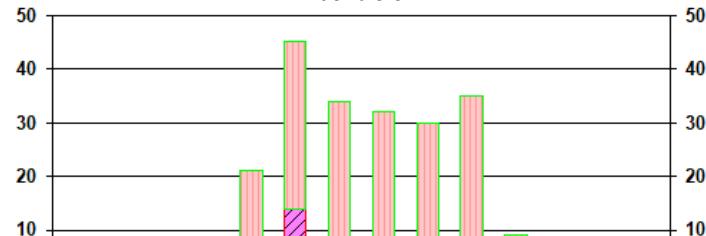
* u_x non trascurabile

Tuo Metodo

COL. OMOG. ARCHITECT

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



Note: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: ALBUMINA

g/dL

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	203	3	3.005	5.6	0.168	3.000
Tuo Metodo	18	0	2.947	5.5	0.162	2.985

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 2.80

	Diff. S	Diff. %
Tutti	-1.23	-6.82
Tuo Metodo	-0.91	-4.99

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○	○									

○ = Interno X = Esterno

rispetto ai L.A.

L.A. camp. corrente: 7.30

N. risultati numerici

203

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

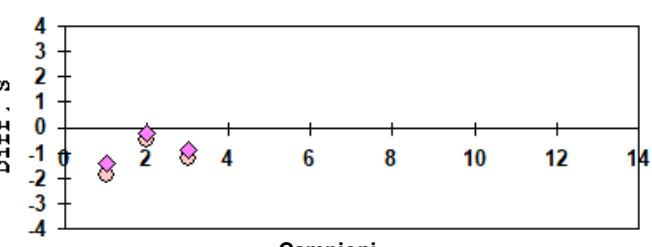
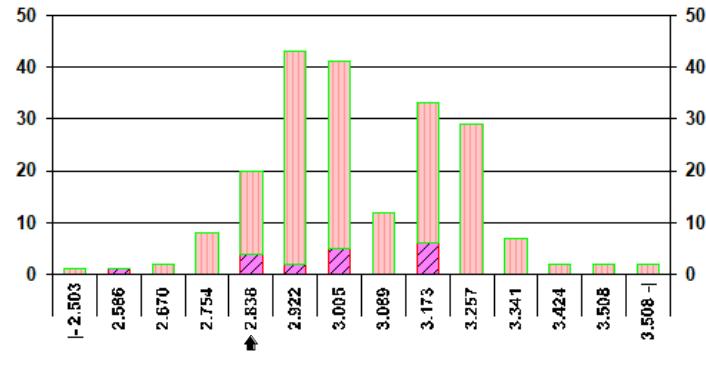
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
BCG/ROCHE	67	1	3.147	4.2	0.016
BCG BECKMAN	41	0	2.907	3.8	0.017
BCG	35	1	3.007	5.4	0.028
BCG ABBOTT	28	0	2.902	3.1	0.017
BCP	18	0	2.947	5.5	0.038
TURBIDIM.	9	0	2.940	7.8	0.076*

* u_x non trascurabile

Tuo Metodo
BCP

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: ACIDI BILIARI

μmol/L

Nº Risposte totali: 47

Sottogruppo: ACIDI BILIARI

μmol/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	47	1	47.72	8.9	4.24	47.30
Tuo Metodo	8	0	45.04	8.9	4.02	45.30

Campione 3 (Scad. 16/04/2025)

Tuo risultato 52.1

	Diff. S	Diff. %
Tutti	1.03	9.18
Tuo Metodo	1.76	15.67

Valutazione errore totale

1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
○	○										

○ = Interno X = Esterno

rispetto ai L.A.

L.A. camp. corrente: 25.78

N. risultati numerici

47

N. risultati semiquantitativi/qualitativi

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)

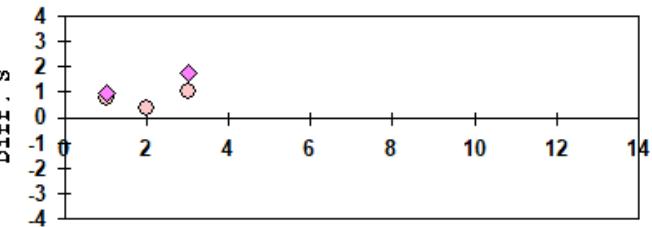
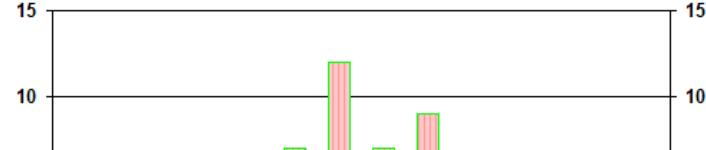
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
ENZIMATICO BECKMAN	17	0	49.52	6.2	0.75
ENZIMATICO ROCHE	14	0	49.00	7.9	1.04
ENZIMATICO ABBOTT	8	0	45.04	8.9	1.42*

* u_x non trascurabile

Tuo Metodo
ENZIMATICO ABBOTT

■ Tuo Metodo ■ Altro

▲ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

Analita: PSA µg/L

	N.	Out	Media	C.V.	S.D.	Med.na
Tutti	101	0	20.070	13.3	2.660	20.100
Tuo Metodo	13	0	17.784	4.8	0.847	17.990

Campione	3 (Scad. 16/04/2025)
Tuo risultato	19.21

	Diff. S	Diff. %
Tutti	-0.32	-4.29
Tuo Metodo	1.68	8.02

Valutazione errore totale											
1	2	3	4	5	6	7	8	9	10	11	12
X	O	O									

O = Interno X = Esterno rispetto ai L.A. L.A. camp. corrente: 12.50

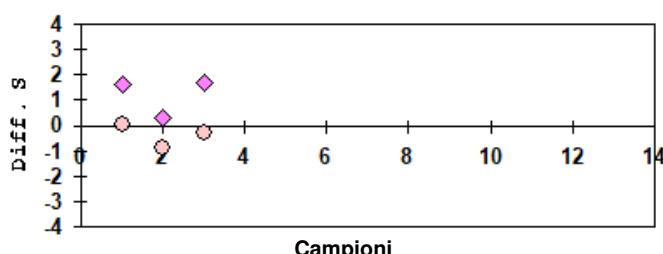
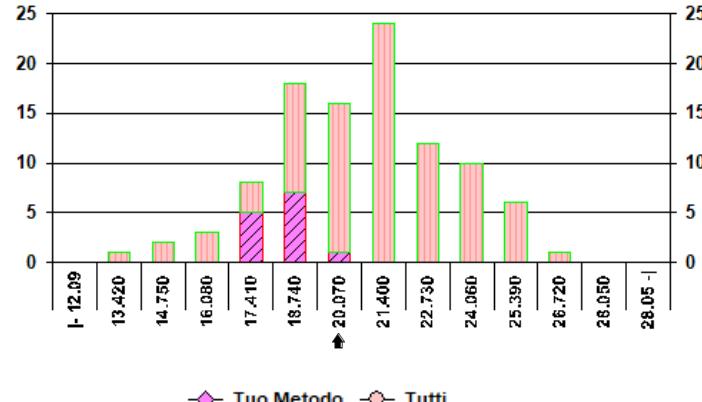
N. risultati numerici	101
N. risultati semiquantitativi/qualitativi	

Riepilogo x Metodo risultati numerici (> 7 Centri)					
Metodo	N.	Out	M.	C.V.	u _x
ECLIA ROCHE	32	0	20.784	8.1	0.299
CHEMIL/ALINITY	13	0	19.397	11.9	0.639
CHEMIL/ARCHITECT	13	0	17.784	4.8	0.235
CHEMIL/BECKMAN-HYBRITECH	11	0	23.904	5.8	0.416*

* u_x non trascurabile

Tuo Metodo
CHEMIL/ARCHITECT

■ Tuo Metodo ■ Altro
▲ Tuo valore



Nota: I valori di Diff. S > 4 o < a - 4 non rientrano nel grafico.

fine elaborato